

УДК 39+929.51

ЭЛЕМЕНТЫ ЭТНОГЕНЕЗА ХАЗАРЕЙЦЕВ ПО ДАННЫМ ПОПУЛЯЦИОННОЙ ГЕНЕТИКИ

Анатолий Матвеевич Тюрин

кандидат геолого-минералогических наук

Оренбургский государственный университет, Оренбург, Россия

E-mail: amturin1952@bk.ru

А н н о т а ц и я

В Афганистане хазарейцы проживают в центральной части Гиндукуша (Хазараджат), афганском Туркестане и Бадахшане. Обитают они и в самой северной части Пакистана. Являются шиитами. В начале XX в. говорили на монгольском языке, сегодня — на диалекте дари с включением монгольских и тюркских слов. По естественнонаучным данным (этнография, этническая антропология, популяционная генетика), однозначно установлено: в этногенезе хазарейцев приняли участие и монголы. Гаплогруппа Y-хромосомы С является генетическим маркером монголов, в том числе и калмыков (ойрат-монголов). Её носители имеются у казахов, киргизов, узбеков, башкир, татар, ногайцев, хазарейцев и других популяций. У носителей этой гаплогруппы в Средней Азии, Внутренней и Внешней Монголии обособился кластер гаплотипов, названный Star Cluster. Время возникновения его прародителя — 400-1600 лет назад. У монголов частоты гаплотипов кластера самые высокие — 61,5 %, а у калмыков они аномально низкие — 1,1 %. Этот парадокс можно объяснить только одним способом. Калмыки потеряли контакты с основной массой монголов до начала эмиссии базового гаплотипа Star Cluster в регион их первоначального проживания (Западная Монголия). Дата этого события достоверно установлена по письменным свидетельствам — начало XVII в. Среди хазарейцев, носителей гаплогруппы С, частоты Star Cluster составляют 32-40 %. Их предки не могли выйти с территории Монголии раньше, чем вышли предки калмыков, то есть ранее XVII в. По данным популяционной генетики (YTree), хазарейцы являются потомками одного рода монголов — ойратов — и ближайшими генетическими родственниками волжских калмыков. По письменным свидетельствам, это калмаки Джунгарского ханства (3 тыс. семей), пришедшие в Бадахшан в 1759 г. Позднее их потомки, получив этноним «хазара», расселились на территориях Афганистана и северного Пакистана.

К л ю ч е в ы е с л о в а

Хазарейцы, этнология, этнография, этническая антропология, популяционная генетика, письменные свидетельства.

UDC 39+929.51

ELEMENTS OF ETHNOGENESIS OF THE HAZAREAS ACCORDING TO POPULATION GENETICS

Anatoliy M. Tyurin

Candidate of Geological and Mineralogical Sciences

Orenburg State University, Russian Federation

E-mail: amturin1952@bk.ru

Annotation

In Afghanistan, Hazaras live in the central part of the Hindu Kush (Hazarajat), Afghan Turkestan and Badakhshan. They also live in the northern part of Pakistan. They are Shiites. At the beginning of the 20th century spoke Mongolian. Today the Dari dialect is spoken, with the inclusion of Mongolian and Turkic words. According to natural scientific data (ethnography, ethnic anthropology, population genetics), it has been clearly established that the Mongols also took part in the ethnogenesis of the Hazaras. Y-chromosome haplogroup C is a genetic marker of the Mongols, including the Kalmyks (Oirat Mongols). Its carriers are found among the Kazakhs, Kyrgyz, Uzbeks, Bashkirs, Tatars, Nogais, Hazaras and other populations. In the populations of Central Asia, Inner and Outer Mongolia, carriers of this haplogroup have developed a cluster of haplotypes called the Star Cluster. The life time of its progenitor was 400-1600 years ago. Mongols have the highest cluster haplotype frequencies — 61.5%, while Kalmyks have an abnormally low frequency — 1.1%. This paradox can only be explained in one way. The Kalmyks lost contact with the bulk of the Mongols before the emission of the basic Star Cluster haplotype into the region of their original residence (Western Mongolia). The date of this event is reliably established from written evidence — the beginning of the 17th century. Among Hazaras, carriers of haplogroup C, Star Cluster frequencies are 32-40%. Their ancestors could not have left the territory of Mongolia earlier than the ancestors of the Kalmyks left, that is, earlier than the 17th century. According to population genetics (YTree), the Hazaras are descendants of one clan of the Oirat Mongols and the closest genetic relatives of the Volga Kalmyks. According to written evidence, these are the Kalmaks of the Dzungar Khanate (3 thousand families), who came to Badakhshan in 1759. Later, their descendants, having received the ethnonym «Khazar», settled in the territories of Afghanistan and northern Pakistan.

Key words

Hazaras, ethnology, ethnography, ethnic anthropology, population genetics, written evidence.



ВВЕДЕНИЕ

В Афганистане в настоящее время проживают пуштуны, таджики, узбеки, белуджи, хазарейцы и другие этносы. На основе яркой отличительной особенности хазарейцев — монголоидности — сформировалось мнение о том, что они являются потомками воинов, принявших участие в монгольских завоеваниях XIII–XIV вв. Нами просмотрена специальная литература (Дебец, 1967; Кисляков, 1973; Темирханов, 1968, 1979). Отмеченное мнение, на наш взгляд, не основано на достоверных письменных свидетельствах. Внести некоторую ясность в этногенез хазарейцев можно на основе естественнонаучных данных, прежде всего, популяционной генетики.

ОБСУЖДЕНИЕ

Этногенезу хазарейцев посвятили свои работы ряд западноевропейских исследователей. Большинство из них (М. Эльфинстон, Ч. Массон, А. Конелли, Дж. Грей, Г. Вамбери, Ж-Феррье, Э. Рыбичка и др.) высказывали мнение о монголоидном происхождении этноса (Эльфинстон, 1815: 483; Массон, 1842: 217—218; Белью, 1862: 17; Грей, 1856: 205—206; Рыбичка, 1935: 146). Данной точки зрения придерживались и отечественные ученые: И. Ф. Бларемберг, И. Л. Яворский, Н. И. Вавилов и Д. Д. Букинич (Бларемберг, 1853, т. VII: 288); Яворский, 1882–1883: 104–105, 293; Вавилов, Букинич, 1929: 70). Однако В. Муркрофт считал, что физический облик хазарейцев, скорее всего, свидетельствует об их родстве с тибетцами, чем с монголами (Муркрофт, 1841: 385). Дж. Вуд в антропологических чертах хазарейцев находил родство с киргизами (Вуд, 1872: 127).

Существующее разнообразие точек зрения в западноевропейской и отечественной науке на этногенез хазарейцев не означает, что их антропологические характеристики установлены в полной мере и не требуют дальнейшей разработки. Сегодня очевидно, что в исследовательских работах об этногенезе, в частности, хазарейцев, важно использовать не только письменные свидетельства, но и результаты современных естественнонаучных методов, в частности, популяционной генетики.

МАТЕРИАЛЫ И МЕТОДЫ

Естественнонаучные данные

Данные по этнической антропологии жителей Афганистана собраны в 1964–1966 гг. (Дебец, 1967). Наличие центральноазиатских монголоидных компонентов на фоне европеоидных отмечено у трёх популяций — хазарейцев, аймаков и моголов. У моголов доля компонентов ниже, чем у хазарейцев. У аймаков присутствует только их примесь.

В начале XX в. газаринцы (одна из форм этнонима хазарейцы) Гиндукуша «чистые монголы, сохранившие монгольский язык и характер от окружающих влияний и не смешавшиеся с другими народностями» (Гамильтон, 1908: 112). Аймаки сунниты. Проживают в западной части Гиндукуша. Немногочисленная популяция моголов рассеяна по Афганистану островками. В середине XX в. их монгольский язык еще сохранился в нескольких деревнях в долине Герируда вблизи

Герата (Дебец, 1967:88). В других регионах моголы имеют воспоминание о том, что их предки два-три поколения тому назад говорили по-могольски. По контексту понятно, что речь идёт о монгольском языке. От хазарейцев моголы обособлены. Они сунниты. Среди сообществ Афганистана проживают сеиды, ведущие свою генеалогию от рода Мухаммеда. Сеиды, проживающие среди хазарейцев, являются шиитами, имеют менее выраженные монголоидные компоненты, чем хазарейцы.

Гаплогруппы Y-хромосомы (передаются по мужской линии) C, O и D называют «монгольскими». У монголов (N=852, N — число тестированных) их частоты 58,1, 16,7 и 0,8 % соответственно (Дамба и др., 2018), у калмыков Калмыкии (N=207) частоты первых двух гаплогрупп 59,4 и 4,5 % (Balinova, et al, 2019). Это генетические маркеры (от термина «генезис») монголов в Восточной Европе и Азии. Гаплогруппа C является генетическим маркером собственно монголов. Гаплогруппа O по частоте доминирует у китайцев, гаплогруппа D — у корейцев и японцев. Эти две гаплогруппы попали к монголам от соседних популяций. Носители «монгольских» гаплогрупп имеются у казахов, киргизов, узбеков, башкир, татар, ногайцев, хазарейцев и других популяций (Тюрин, 2017).

Результаты тестирования на гаплогруппы и гаплотипы Y-хромосомы хазарейцев (N=60), пуштунов (N=49), таджиков (N=56) и узбеков (N=17) Афганистана приведены в публикации (Haber et al, 2012). Гаплогруппа C выявлена у 20, 1, 2 и 7 мужчин соответственно. То есть, среди хазарейцев 33,3 % её носителей. На втором месте у них по частотам гаплогруппа J2 (26,7 %), на третьем — R1a (6,7 %). Один индивидум является носителем гаплогруппы O. У узбеков носителей гаплогруппы C (41,2 %) больше, чем у хазарейцев.

Авторы публикации (Ullah, et al, 2017) изучили популяции, населяющие горные районы на севере Пакистана. Всего 27 коротких tandemных повторов Y-хромосомы (Y-STR) и 331 одиночный нуклеотид. В поле главных компонент генетических дистанций между популяциями точки «Хазарейцы Пакистана», «Хазарейцы Афганистана» и «Узбеки Афганистана» (Figure 3) находятся на минимальном расстоянии друг от друга.

Аутосомные генетические маркеры популяций Афганистана — пуштунов (N=90), таджиков (N=146), хазарейцев (N=78), узбеков (N=127) и туркмен (N=75) — рассмотрены в публикации (Julie Di Cristofaro, et al, 2013). В поле главных компонент популяций Афганистана, Пакистана, Ирана, Киргизстана и Монголии точка «Хазарейцы Пакистана» находится в непосредственной близости от точек, характеризующих монголов разных регионов Монголии. Точка «Хазарейцы Бамиана» — на самом краю облака «Популяции Афганистана и Киргизстана» с его стороны, обращённой к точкам монголов. В этой же области диаграммы находятся точки, характеризующие узбеков и туркмен афганского Туркестана.

Естественнонаучные данные, характеризующие хазарейцев (этнография, этническая антропология, популяционная генетика), безоговорочно подтверждают сложившееся мнение об их этногенезе: в нём приняли участие и монголы.

Датирование времени исхода предков хазарейцев из региона проживания монголов

Авторы публикации (Zerjal, et al, 2003) выполнили анализ гаплотипов (15 локусов) Y-хромосомы мужчин популяций Средней Азии, Внутренней и Внешней

Монголии (N= 2123) В субкладе C*(×C3c) обособился кластер Star Cluster, включающий базовый гаплотип (10-16-25-10-11-13-14-12-11-11-11-12-8-10-10, DYS389I-DYS389b-DYS390-DYS391-DYS392-YS393-DYS388-DYS425-DYS426-DYS434-DYS435-DYS436-DYS437-DYS438-DYS439) и гаплотипы, связанные с ним через, в основном, 1 мутацию. Соответствующие ему гаплотипы имеются примерно у 16 миллионов мужчин региона, что составляет 8 % его мужского населения, или 0,5 % населения мира. Носители Star Cluster выявлены в 16 популяциях. Наибольшее их число (среди гаплогруппы C) у, китайцев (29 %) и монголов (25 %) Внутренней Монголии, монголов Монголии (17 %), уйгуров (16 %), хазарейцев (32 %), казахов Китая (19 %), казахов Казахстана (8 %), киргизов (8 %), узбеков (5 %). По количеству мутаций внутри кластера определено время жизни его прародителя (TMRCA) — интервал 700-1300 лет назад (л.н.) примерно для 2σ. Сделано предположение, что базовый гаплотип Star Cluster принадлежал Чингисхану. 16 миллионов мужчин региона являются его потомками. Поэтому второе название Star Cluster в специальной литературе «Genghis Khan».

В статье (Zerjal et al, 2003) не приведены исходные данные, на основе которых рассчитано время жизни общего предка Star Cluster. В популяционной генетике скорость мутаций гаплотипов определена по парам отец-сын. Её точность небольшая. Например, по 3026 парам отец-сын для гаплотипа в 17 локусов она составила $1,998 (1,501-2, 606) \times 10^{-3}$ локус на поколение (Gusmao et al, 2005). В скобках интервал скорости показан для 1σ. При учёте большой погрешности определения скорости мутаций, время жизни общего предка Star Cluster попадает примерно в интервал 400-1600 л.н. (2σ).

У хазарейцев Афганистана выявлено 20 носителей гаплогруппы C, у узбеков — 7 (Haber, et al, 2012). В этой же публикации приведены и их гаплотипы. Они достоверно пересекаются с гаплотипами из публикации (Zerjal, et al, 2003) по восьми локусам: DYS390-DYS391-DYS392-DYS393-DYS388-DYS426-DYS438-DYS439. По ним носителями базового гаплотипа Star Cluster являются 8 хазарейцев (40 %) и 5 (71 %) узбеков.

В публикации (Wells, et al, 2007) приведены гаплотипы тестированных калмыков из статьи (Nasidze, et al, 2005). У носителей гаплогруппы C (N=62) базового гаплотипа Star Cluster не имеется. Авторы публикации (Деренко и др., 2007) целенаправленно искали потомков Чингисхана среди народов Центральной Азии и Восточной Европы. У монголов (N=46) — 26/16 (носители гаплогруппы C/носители гаплотипов Star Cluster), алтайских казахов (N=36) — 18/3, алтай-кижи (N=89) — 14/3, бурятов (N=217) — 148/5, тувинцев (N=108) — 10/2, калмыков (N=60) — 30/1, эвенков (N=51) — 21/0, сойотов (N=28) — 15/0, хамниган (N=51) — 28/0.

Таким образом, у монголов, носителей гаплогруппы C, самые высокие частоты гаплотипов Star Cluster — 16 на 26 (61,5 %), а у калмыков они аномально низкие — 1 на 92. Этот парадокс можно объяснить только одним способом. Калмыки потеряли контакты с основной массой монголов до начала эмиссии базового гаплотипа Star Cluster в регион их первоначального проживания (Западная Монголия). Дата этого события достоверно установлена по письменным свидетельствам — начало XVII в. (Очерки истории..., 1967). Выход калмыков из Западной Монголии в Семиречье Казахстана с последующем перемещением в Северный Прикаспий соответствует

времени жизни прародителя Star Cluster с погрешностями, уточнёнными по скоростям мутации гаплотипов по парам отец/сын. Его эмиссия в регион проживания ойратов началась не ранее XVII в.

Среди хазарейцев, носителей гаплогруппы C, 32-40 % имеют гаплотипы Star Cluster (Zerjal, et al, 2003). Их предки не могли выйти с территории Монголии раньше, чем вышли предки калмыков, то есть ранее XVII в.

Субэтническая идентификация хазарейцев

В рамках популяционной генетики у монголов выделяют две субпопуляции: монголы-ойраты и монголы-халха (западные и восточные монголы). Монголы-ойраты, мигрировавшие в XVII в Северный Прикаспий, получили этноним калмыки. Те, кто создал в Семиречье и северо-западном Синьцзяне Джунгарское ханство (XVI-XVIII вв.), — калмаки. В русских письменных свидетельствах последних называют зюнгарами. В специальной литературе — джунгарами.

Авторы публикации (Malyarchuk et al, 2012) изучили структуру гаплогруппы C у популяций Восточной Европы и Восточной Азии. Выделено три субклада, но нас интересуют два: C3c1-M77, M86 и C3*-M217 (xC3a, C3b, C3c, C3d, C3e, C3f). У калмыков (N=91) их частоты 45,1 и 5,5 %, у монголов (интегрально) (N=49) — 10,9 и 39,1 %, у алтайских казахов (N=36) — 41,7 и 16,7 %. То есть по частотам субкладов калмыки существенно отличаются от монголов, а алтайские казахи ближе к первым, чем ко вторым.

Структура генофонда популяций, говорящих на ойратском диалекте монгольской языковой семьи (монголы-ойраты) и проживающих на территории Западной Монголии, Китая (Синьцзян), Киргизии и России, приведена в публикации (Balinova et al, 2019). Оказалось, что у них по частотам резко доминирует линия C3c1b-F6379 субклада C3c1-M77. Её частоты у калмыков на территории России: дербеты (N=69) — 21,7 % (60,8 %), торгуты (N=58) — 41,4 % (55,1 %), хошеуты (N=28) — 50,0 % (53,6 %) и бузавы (N=52) — 48,1 % (65,4 %). В скобках показаны частоты гаплогруппы C. Первые три популяции соответствуют родовым объединениям монголов-ойратов, последняя — потомкам калмыков-казахов (донских). У монголов-ойратов субклад C3c1b-F6379 имеет следующие частоты: дербеты (N=40) — 50,0 % (72,5 %), торгуты (N=47) — 29,8 % (66,0 %), хошеуты (N=18) — 66,7 % (77,8 %). У калмыков Синьцзяна (N=12) — 25,0 % (50,0 %). У других популяций Сибири и монголов рассматриваемый субклад не выявлен (Balinova, et al, 2019: fig. 2), но у них имеется его родительская линия C-M86. Общие выводы: у монголов-халха и монголов-ойратов (включая, калмыков и калмаков) по частоте доминируют разные субклады гаплогруппы C; субклад C3c1b-F6379 является генетическим маркером калмыков и калмаков.

В дереве YTree (Дерево) уверенно выделяется субклад C-M48 «Монголы-ойраты». Линии субклада выявлены в ископаемых останках людей на территории Монголии (1), Китая (1, Синьцзян) и Казахстана (1, Карагандинская область). В кластере доминируют жители Китая (53). Среди них из Внутренней Монголии (15) и Синьцзяна (3), а также монголы (5), казах, даур и ороген. Другие носители кластера проживают в Монголии (1), Казахстане (4), Киргизии (4),

Узбекистане (1), Саудовской Аравии (1), Турции (1), Италии (2, французы) и на Украине (1). В России — в Калмыкии (5), Татарстане (6, из них 3 татарина), Крыму (1), Бурятии (1, монгол), Туве (1), Хабаровском крае (1, эвен), Томской (1, сибирский татарин), Нижегородской (1, татарин) и Рязанской (1, татарин) областях. Для одного тестированного регион проживания не указан. Всего 18. В кластер попал и калмык из Монголии.

Линия С-F6193 «Калмыки» является ядром субклада «Монголы-ойраты» (Рис. 1). Включает 7 мужчин, проживающих на территории Калмыкии. Этнос указан только для одного — калмык. С вероятностью, близкой к 1 тестированные жители Калмыкии являются калмыками. С высокой вероятностью им является и житель России, для которого не указан регион проживания. Один житель Монголии является калмыком. Линия включает 7 жителей Китая, в том числе Синьцзяна (3, 1 казах) и Внутренней Монголии (3). Имеются жители Казахстана (2) и Киргизии (2). С территории Монголии в ядро кластера попал только один житель. Его нахождение в ядре субклада «Калмыки» с высокой вероятностью указывает на то, что он монгол-ойрат. Таким образом, носители линии С-F6193 проживают на территории Калмыкии, а также в регионах проживания монголов-ойратов.

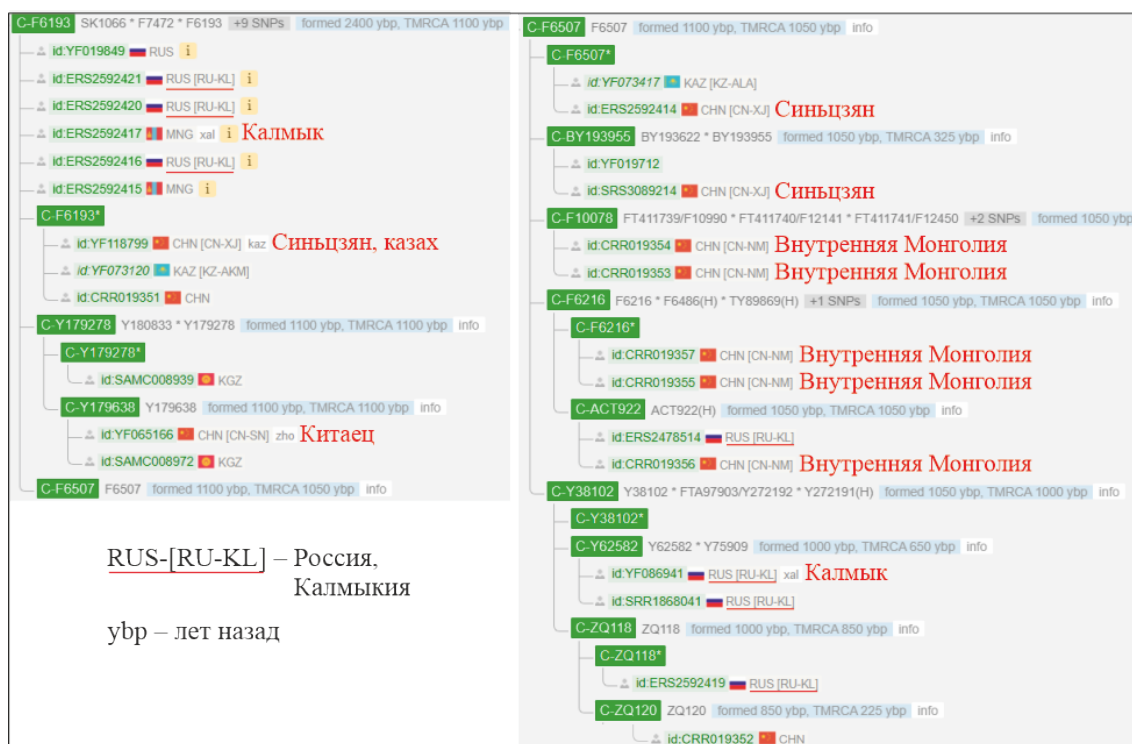


Рис. 1. Гаплогруппа Y-хромосомы С (Дерево).
Фрагмент субклада С-M48 «Монголы-ойраты». Линия С-F6193 «Калмыки»

Линия С-Y125520 «Хазарейцы» субклада С-M48 объединяет шесть из семи хазарейцев, носителей гаплогруппы С из Афганистана и Пакистана, одного монгола Внутренней Монголии и одного жителя Саудовской Аравии (Рис. 2). Скорее всего, монгол является ойратом.

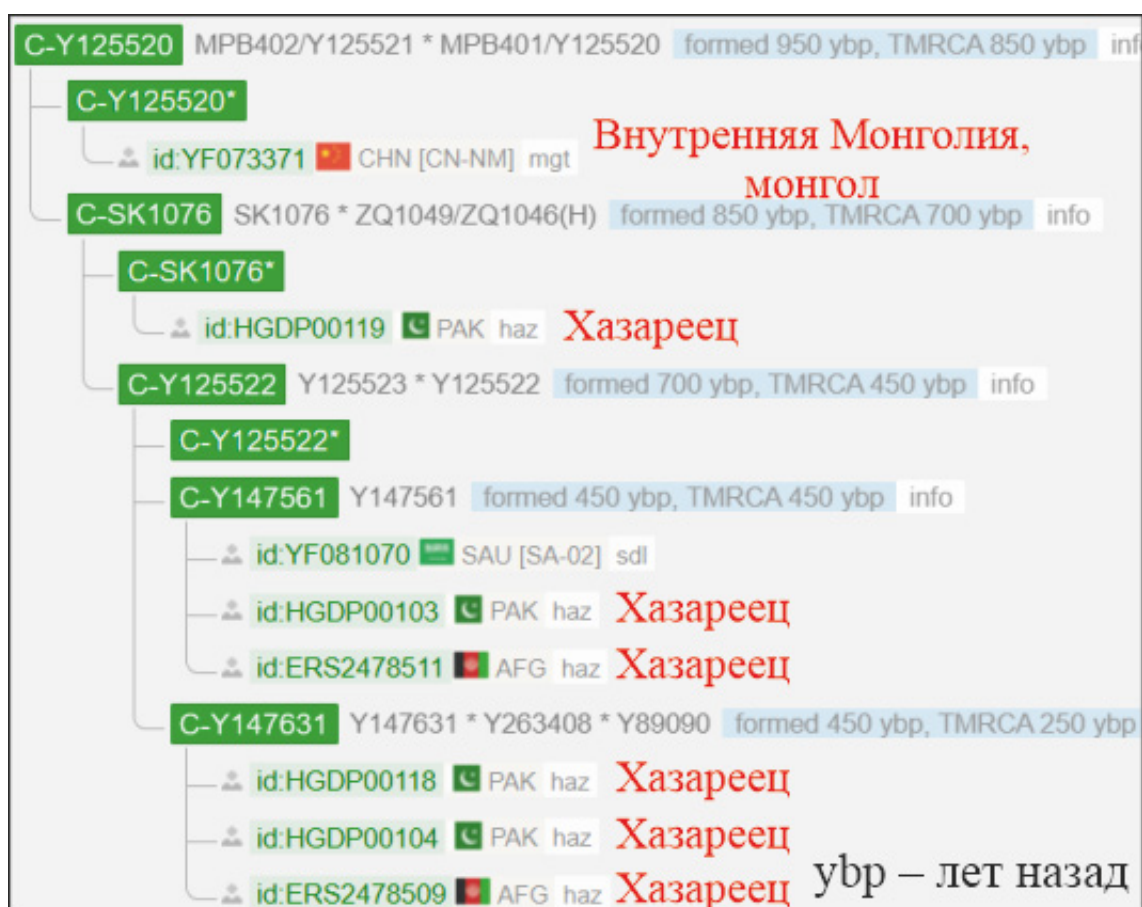


Рис. 2. Гаплогруппа Y-хромосомы C (Дерево).
Фрагмент субклада C-M48 «Монголы-ойраты». Линия Y125520 «Хазарейцы»

Формальные выводы строго определены.

1. Калмыки и хазарейцы являются ближайшими генетическими родственниками.
2. Хазарейцы, как и калмыки, являются потомками монголов-ойратов.
3. Время жизни общих предков калмыков линии C-F6193 — 1000-1100 л.н. (Рис. 1). У них практически не имеется гаплотипа Star Cluster. Гаплотип появился в регионе первоначального их проживания позднее времени жизни общих предков.
4. Гаплотип Star Cluster появился в регионе проживания предков калмыков (западная Монголия) не ранее XVII в. (время ухода из него предков калмыков).
5. Время жизни общего предка пяти из шести хазарейцев линии C-Y125520 — 450 л.н. (Рис. 2). Он родился после появления базового гаплотипа Star Cluster в регионе их первоначального проживания.
6. Шесть из семи хазарейцев, носителей гаплогруппы C, являются ближайшими родственниками (с генетической точки зрения). Попросту говоря, их предки входили в один род.

Общий вывод: хазарейцы являются потомками одного из родов монголов-ойратов, который пришёл на территорию современного Афганистана не ранее XVII в.

Реконструкция этногенеза хазарейцев

Политико-географический термин «Бадахшан» имеет два значения. Одно из них охватывает Памир и горный регион, прилегающий к нему с запада. Второе относится к политическому образованию XVII-XVIII вв. на территории современного Афганистана. Княжество Бадахшан включало таджикские кишлаки по среднему и верхнему течению реки Кокча (левый приток Пянджа) и её притокам. Его история, начиная с 1657 г. приведена в «Та'рих-и Бадахшан» (1997). На юге Бадахшан был ограничен главным хребтом Гиндукуша. За ним находилась историческая область Читрал (сегодня это территория Пакистана). На севере граничил с Дарвазом (сегодня северная часть провинции Бадахшан Афганистана), на востоке — с Шугнаном (кроме крайней западной части территория Таджикистана, центральная часть Памира). Дарваз и Шугнан — это такие же горные таджикские княжества, как и Бадахшан. На северо-западе и западе Бадахшан граничил с Каттаганом. Эта историческая область на севере Афганистана охватывала территории провинций Кундуз, Тохар, Баглан и Саманган. «до конца XVII в. была заселена, в основном, таджиками, но впоследствии там стала увеличиваться численность тюркоязычного населения» (Та'рих-и Бадахшан, 1997: примечание 4). Столицей Бадахшана был Файзабад. Население княжества занималось выращиванием злаков, опиума, садоводством и животноводством, ремёслами, добычей лазурита.

В 1656-57 г. эмиром Бадахшана стал Йари-бек-хан (Та'рих-и Бадахшан, 1997). Он и его потомки правили регионом 230 лет. Периоды процветания чередовались с разлуками. Всё как обычно при феодальной раздробленности. Но в традициях потомков эмира была одна странная особенность. В разборки с соседями и между собой они привлекали калмаков Джунгарского ханства. В первом случае прибыло 10 тысяч калмыков. Они наказали узбеков за какие-то обиды, причиненные бадахшанцам. Потом правителям Бадахшана нужно было захватить две области соседнего княжества. Снова призвали калмаков (это случилось при правителе Джунгарии Галдан Цэрэне, 1727-1745 гг.). В третий раз калмаков в Бадахшан привёл брат его эмира, чем-то на него обиженный. Но дело закончилось примирением братьев. А калмакам не повезло. В свою страну они попытались вернуться через Дарваз и Каратегин. Но были разбиты каратегинцами. Ни один из них не вернулся на родину. Скорее всего, пленные калмаки впервые принесли в Южный Таджикистан и афганский Туркестан центральноазиатскую монголоидность.

В 1755-1759 гг. Китай завоевал Синьцзян. Джунгарское ханство было ликвидировано. Калмаки категорически не вписывались в новый формат региона. Нойон Шеаренг вывел из Джунгарии до семи-восьми тысяч калмаков (2,5 тысяч кибиток) в пределы России на Волгу (Митиров, 1998). С собой они принесли базовый гаплотип Star Cluster, который имеется с небольшими частотами у калмыков. В 1771 г. эти калмыки вместе с наместником Убаши вернулись на территорию Джунгарии (Санчилов, 2012: 87).

Группа калмаков численностью 12 тыс. «буне» вышла из Джунгарии в Бадахшан. 9 тыс. «буне» ушли в Ферганскую долину, 3 тыс. через Памир и Шугнан в 1959 г. пришли в Бадахшан (Та'рих-и Бадахшан, 1997). «Буне» в языке дари означает «дом». «Буне» можно перевести как «кибитка» или «семья». Средняя численность семьи кочевников — 5 человек. Встречаются упоминания о нескольких тысячах ойратов,

живших в Ферганской долине при Ирдана-бие (в период после 1764 г.) (Кузнецов, 1983: 55). Их потомки стали узбеками и киргизами. Потомки тех, кто пришёл в Бадахшан, — это хазарейцы.

После небольших разборок калмаки и эмир Бадахшана Султан-шаха нашли общий язык. На севере Афганистана сформировался один из регионов проживания хазарейцев — Бадахшан и Каттаган. В 1884 г. численность осёдлого населения афганского Туркестана составляла 87 тыс. семей, в том числе 11 тыс. хазарейцев (13 %). Проникли они и в Кулябскую область Таджикистана (Бакиев, Шамсияи, 2019). Скорее всего, признаки монголоидности локайцы Южного Таджикистана (Пестряков, 1975) получили от калмаков.

Имея воинов-калмаков, Султан-шах начал завоевание территорий, сопредельных с Бадахшаном. В 1764 г. покорил Читрал (Та'рих-и Бадахшан, 1997). Можно предположить, что там он поселил некоторую часть калмаков. Так сформировался ещё один регион проживания хазарейцев — самая северная часть Пакистана.

В период правления Дурранийской империей Тимур-шахом Дуррани (1772–1793 гг.) «Калмыки были приведены в Кабул (столица) и включены в корпус гулам-хана» (Джандосова, 1998: 278). В 1798 г. гуламы-калмаки приняли участие в битве между войсками Шах Замана Дуррани (сын Тимур-шаха) и его братом, Шахзада Махмудом, правителем Герата. «Гуламы» — это воинские формирования, подчинённые непосредственно правителю страны. Как мы понимаем, «приведены в Кабул» — это расселены в регионе рядом с ним. Можно предположить, что этим регионом являлся Хазараджат. В конце XIX в. он включал провинции Урузган и Дайкунди, а также пограничные с ними районы Газни, Гора и Бамиана (Джандосова, 1997: 54). В другой публикации регион расселения хазарейцев обозначен как верхнее течение Гильменда, пространство «между Гератом и Кабулом и часть пограничного Гиндукуша» (Гамильтон, 1908: 112).

В 1759 г. в Бадахшан пришло 3 тыс. семей калмаков (Та'рих-и Бадахшан, 1997). Это примерно 15 тыс. человек. Численность хазарейцев, покорных эмиру Афганистана, в 1850 г. оценена в 120 тыс., всех хазарейцев на его территории в 1871 г. — 150 тыс., в 1886 г. — 120 тыс. семей (600 тыс. чел.) (Окимбеков, 2020: 133-134). В 1971 г. — свыше 520 тыс. (Кисляков, 1973: 130). Получается, что в 1759–1871 гг. (за 112 лет) численность потомков калмаков увеличилась в 10 раз, 1871–1971 гг. (за 100 лет) более чем в 3,7 раза. Возможно, у калмаков частота гаплогруппы С составляла 80%, а сегодня у хазарейцев — 33%. Иными словами, больше половины хазарейцев не являются потомками калмаков. Исходя из этого, численность потомков калмаков в 1871 г. составляла 63 тыс.: увеличение с 1759 г. в 4,2 раза. Представляется, что последняя цифра нереально большая. Возможно, калмыки, приведённые в регион Кабула Тимур-шахом, являлись потомками калмаков, ушедших в 1759 г. в Ферганскую долину. Они были из того же рода, что и калмаки, пришедшие в Бадахшан. В тексте «Та'рих-и Бадахшан» о калмаках говорится как о двенадцати тысячах «буне» людей, способных к военному делу (Та'рих-и Бадахшан, 1997). Возможно, одного воина поставляло несколько семей калмаков или же посчитаны только семьи, выставившие воинов. Реально калмаков было в разы больше 15 тысяч.

Наши предположения снимают проблему резкого увеличения численности хазарейцев в период 1759–1871 гг. Но пока ясно одно: этот элемент реконструкций нуждается в дополнительном обосновании.

ЗАКЛЮЧЕНИЕ

По результатам нашего исследования можно сделать следующие выводы:

1. По естественнонаучным данным (этнография, этническая антропология, популяционная генетика), однозначно установлено: в этногенезе хазарейцев приняли участие и монголы.
2. По данным популяционной генетики, при опоре на письменные свидетельства хазарейцы являются потомками одного рода ойратов и ближайшими генетическими родственниками волжских калмыков. Они пришли на территорию Афганистана не ранее XVII в.
3. По письменным свидетельствам, на территорию Афганистана (в Бадахшан) в 1759 г. пришли калмаки Джунгарского ханства (3 тыс. семей).
4. Потомки калмаков, получив этноним «хазара», расселились на территории Афганистана (Бадахшан, афганский Туркестан, Хазараджат) и северного Пакистана.

Литература

- Бакиев, Р.У., Шамсияи, Т. (2019). Этнографическое изучение куляба русскими исследователями первой половины XX века. *Вестник Бохтарского государственного университета имени Носира Хусрава*. Серия общественных наук. 3-2 (64). 73–79.
- Гамильтон, А. (1908). *Афганистан*. Санкт-Петербург: Типография Э. Арнольда.
- Дамба, Л.Д., Балановская, Е.В., Жабагин, М.К. и др. (2018). Оценка вклада монгольской экспансии в генофонд тувинцев. *Вавиловский журнал генетики и селекции*. 22, 5. 611–619.
- Дебец, Г.Ф. (1967). Антропологические исследования в Афганистане. *Советская этнография*. 4. 75–93.
- Деренко, М.В., Малярчук, Б.А., Возняк, М. и др. (2007). Распространенность мужских линий «чингизидов» в популяциях Северной Евразии. *Генетика*. 43. 3. 422–426.
- Джандосова, З.А. (1997). История покорения Хазараджата по сообщениям «Сирадж ат-таварих». *Вестник Восточного института*. 1 (5). 3. 53–73.
- Джандосова, З.А. (1998). Шах Заман — последний император Афганистана. *Страны и народы Востока*. XXX. Центральная Азия. Гиндукуш. СПб.: Петербургское востоковедение. 263–279.
- Кисляков, В.Н. (1973). Хазарейцы, аймаки, моголы (к вопросу об их происхождении и расселении). *Советская этнография*. № 4. 130–139.
- Кузнецов, В.С. (1983). *Цинская империя на рубежах Центральной Азии (вторая половина XVIII — первая половина XIX в.)*. Новосибирск: Наука.
- Митиров, А.Г. (1998). *Ойраты-калмыки: века и поколения*. Элиста: Калм. кн. изд-во.
- Окимбеков, У.В. (2020). Население Афганистана в XIX в.: некоторые демографические тенденции. *Этнографическое обозрение*. 5. 130–148.
- Очерки истории Калмыцкой АССР: Дооктябрьский период* (1967). Москва: Наука.
- Пестряков, А.П. (1975). Антропологические исследования некоторых групп населения Таджикистана и Узбекистана. *Советская этнография*. 1. 102–112.
- Санчиров, В.П. (2012). О новом издании «Родословной торгутов». *Вестник Калмыцкого института гуманитарных исследований РАН*. 5. 2. 85–89.

Та'рих-и Бадахшан (*История Бадахшана*) (1997). Факсимиле рукописи. Издание текста, пер. с перс. А. Н. Болдырева при участии С. Е. Григорьева. Введ. А. Н. Болдырева и С. Е. Григорьева. Примеч. и прил. С. Е. Григорьева. Москва: Вост. лит.

Темирханов, Л. (1968). О некоторых спорных вопросах этнической истории хазарейского народа. *Советская этнография*. 1. 93–94.

Темирханов, Л. (1979). *Хазарейцы*: Очерки новой и новейшей истории. Душанбе: ТаджГУ.

Тюрин, А.М. (2017). Калмыки, караногайцы, кубанские ногайцы и крымские татары — геногеографический и геногенеалогический аспекты. *Журнал фронтирных исследований*. 2. 7–29.

Balinova, N. Post, H., Kushniarevich, A., et al. (2019). Y-chromosomal analysis of clan structure of Kamyks, the only European Mongol people, and their relationship to Oirat-Mongols of Inner Asia. *European Journal of Human Genetics*. 27 (9). 1466-1474.

Gusmao, L., Sanchez-Diz, P., Calafell, F., et al. (2005). Mutation rates at Y chromosome specific microsatellites. *Human Mutat*. 26. 6. 520–528.

Haber, M., Platt, D.E., Ashrafian Bonab, M., et al. (2012). Afghanistan's Ethnic Groups Share a Y-Chromosomal Heritage Structured by Historical Events. *PLoS One*. 7(3). e34288

Julie, Di Cristofaro, Erwan, Pennarun, Stéphane, Mazières, et al. (2013). Afghan hindu kush: where eurasian sub-continent gene flows converge. *PLoS ONE*. 8 (10). e76748.

Malyarchuk, B. A., Derenko, M., Denisova, G. (2012). On the Y-chromosome haplogroup C3c classification. *Journal of Human Genetics*. 57. 685–686.

Nasidze, I., Quinque, D., Dupanloup, I., et al. (2005). Genetic evidence for the Mongolian –ancestry of Kalmyks. *American Journal of Physical Anthropology*. 128(4). 846–854.

Wells, R. S., Yuldasheva, N., et al (2001). The Eurasian heartland: a continental perspective on Y-chromosome diversity. *Proceedings of the National Academy of Sciences*. 98(18). 10244–10249.

Ullah, I., Olofsson, J.K., Margaryan, A., et al. (2017). High Y-chromosomal differentiation among ethnic groups of Dir and Swat districts, Pakistan. *Annals of Human Genetics*. 81 (6). 234–248.

Zerjal, T., Xue, Y., Bertorelle, G., et al. (2003). The genetic legacy of the Mongols. *American Journal of Human Genetics*. 72(3). 717–721.

References

Bakiev, R.U., Shamsiyai, T. (2019). Etnograficheskoe izuchenie kulyaba russkimi issledovatelyami pervoi poloviny XX veka. *Vestnik Bokhtarskogo gosudarstvennogo universiteta imeni Nosira Khusrava*. Seriya obshchestvennykh nauk. 3-2 (64). 73–79 (in Russian).

Balinova, N. Post, H., Kushniarevich, A., et al. (2019). Y-chromosomal analysis of clan structure of Kamyks, the only European Mongol people, and their relationship to Oirat-Mongols of Inner Asia. *European Journal of Human Genetics*. 27 (9). 1466-1474.

Damba, L.D., Balanovskaya, E.V., Zhabagin, M.K. i dr. (2018). Otsenka vkladа mongol'skoi ekspansii v genofond tuvintsev. *Vavilovskii zhurnal genetiki i selektsii*. 22. 5. 611–619 (in Russian).

Debets, G.F. (1967). Antropologicheskie issledovaniya v Afganistane. *Sovetskaya etnografiya*. 4. 75–93 (in Russian).

Derenko, M.V., Malyarchuk, B.A., Voznyak, M. i dr. (2007). Rasprostranennost' muzhskikh linii «chingizidov» v populyatsiyakh Severnoi Evrazii. *Genetika*. 43. 3. 422–426 (in Russian).

Dzhandosova, 3.A. (1997). Istoriya pokoreniya Khazaradzhata po soobshcheniyam «Siradzh at-tavarikh». *Vestnik Vostochnogo instituta*. 1 (5). 3. 53–73 (in Russian).

- Dzhandosova, Z.A. (1998). Shakh Zaman — poslednii imperator Afganistana. *Strany i narody Vostoka*. XXX. Tsentral'naya Aziya. Gindukush. SPb.: Peterburgskoe vostokovedenie. 263–279 (in Russian).
- Gamil'ton, A. (1908). *Afganistan*. Sankt-Peterburg: Tipografiya E. Arngol'da (in Russian).
- Gusmao, L., Sanchez-Diz, P., Calafell, F., et al. (2005). Mutation rates at Y chromosome specific microsatellites. *Human Mutat.* 26. 6. 520–528.
- Haber, M., Platt, D.E., Ashrafian Bonab, M., et al. (2012). Afghanistan's Ethnic Groups Share a Y-Chromosomal Heritage Structured by Historical Events. *PLoS One*. 7(3). e34288.
- Julie, Di Cristofaro, Erwan, Pennarun, Stéphane, Mazières, et al. (2013). Afghan hindu kush: where eurasian sub-continent gene flows converge. *PLoS ONE*. 8 (10). e76748.
- Kislyakov, V.N. (1973). Khazareitsy, aimaki, mogoly (k voprosu ob ikh proiskhozhdenii i rasselenii). *Sovetskaya etnografiya*. 4. 130–139 (in Russian).
- Kuznetsov, B.C. (1983). *Tsinskaya imperiya na rubezhakh Tsentral'noi Azii (vtoraya polovina XVIII — pervaya polovina XIX v.)*. Novosibirsk: Nauka (in Russian).
- Malyarchuk, B. A., Derenko, M., Denisova, G. (2012). On the Y-chromosome haplogroup C3c classification. *Journal of Human Genetics*. 57. 685–686.
- Mitirov, A.G. (1998). *Oiraty-kalmyki: veka i pokoleniya*. Elista: Kalm. kn. izd-vo (in Russian).
- Nasidze, I., Quinque, D., Dupanloup, I., et al. (2005). Genetic evidence for the Mongolian ancestry of Kalmyks. *American Journal of Physical Anthropology*. 128(4). 846-854.
- Ocherki istorii Kalmyckoj ASSR. Dooktjabr'skij period* (1967). Moscow: Nauka (in Russian).
- Okimbekov, U.V. (2020). Naselenie Afganistana v XIX v.: nekotorye demograficheskie tendentsii. *Etnograficheskoe obozrenie*. 5. 130–148 (in Russian).
- Pestryakov, A.P. (1975). Antropologicheskie issledovaniya nekotorykh grupp naseleniya Tadzhikistana i Uzbekistana. *Sovetskaya etnografiya*. 1. 102–112 (in Russian).
- Sanchirov, V.P. (2012). O novom izdanii «Rodoslovnoi torgutov». *Vestnik Kalmytskogo instituta gumanitarnykh issledovaniy RAN*. 5. 2. 85–89 (in Russian).
- Ta'rikh-i Badakhshan (Istoriya Badakhshana)* (1997). Faksimile rukopisi. Izdanie teksta, per. s pers. A. N. Boldyreva pri uchastii S. E. Grigor'eva. Vved. A. N. Boldyreva i S. E. Grigor'eva. Primech. i pril. S. E. Grigor'eva. Moscow: Vost. lit. (in Russian).
- Temirkhanov, L. (1968). O nekotorykh spornykh voprosakh etnicheskoi istorii khazareiskogo Naroda. *Sovetskaya etnografiya*. 1. 93–94 (in Russian).
- Temirkhanov, L. (1979). *Khazareitsy: Ocherki novoi i noveishei istorii*. Dushanbe: TadzhGU (in Russian).
- Tyurin, A.M. (2017). Kalmyki, karanogaitsy, kubanskije nogaitsy i krymskie tatary — genogeograficheskii i genogenealogicheskii aspekty. *Zhurnal frontirnykh issledovaniy*. 2. 7–29 (in Russian).
- Wells, R. S., Yuldasheva, N., et al (2001). The Eurasian heartland: a continental perspective on Y-chromosome diversity. *Proceedings of the National Academy of Sciences*. 98(18). 10244-10249.
- Ullah, I., Olofsson, J.K., Margaryan, A., et al. (2017). High Y-chromosomal differentiation among ethnic groups of Dir and Swat districts, Pakistan. *Annals of Human Genetics*. 81 (6). 234–248.
- Zerjal, T., Xue, Y., Bertorelle, G., et al. (2003). The genetic legacy of the Mongols. *American Journal of Human Genetics*. 72(3). 717-721.